

IDENTIFIKASI JENIS PADA KEJADIAN CETACEA TERDAMPAR DI INDONESIA DENGAN TEKNIK MOLEKULER

SPECIES IDENTIFICATION OF STRANDED CETACEANS IN INDONESIA REVEALED BY MOLECULAR TECHNIQUE

Ni Luh Astria Yusmalinda^{1,2}, Aji Wahyu Anggoro^{1,2}, Dio Maulid Suhendro³, I Made Jaya Ratha^{4,5}, Dwi Suprapti⁶, Danielle Kreb⁷, dan Ni Kadek Dita Cahyani^{1,2*}

¹Indonesian Biodiversity Research Center, Bali, ²Yayasan Bionesia Indonesia, ³Fakultas Kedokteran Hewan, Universitas Udayana, ⁴Cetacean Sirenian Indonesia, ⁵Whale Stranding Indonesia, ⁶WWF Indonesia, ⁷Yayasan Konservasi RASI, KALTIM; *E-mail: ditacahyani@ibrc-bali.org

ABSTRACT

Stranding cases of cetaceans in Indonesia including whales, dolphins, and porpoises have recently increasingly become unfold and handled by many people. According to data from Whale Stranding Indonesia (WSI), there have been 40 stranding cases in different parts of Indonesia from early 2016 until February 2017. One of the major obstacles for the people who are handling strandings is to identify the species based on morphology alone when the body is in an advanced stadium of decomposition. WSI recorded that 21% of the species are unidentifiable. For that reason, this research aims to introduce a molecular genetics approach for identifying stranded cetaceans. Mitochondrial DNA of the gene control region was amplified using a Polymerase Chain Reaction (PCR) method. Sequence data were compared with data from the genebank (<https://www.ncbi.nlm.nih.gov>) through percentage overlap. From the 36 individuals, which have been used in this research, 26 amplified samples had base lengths varying between 445-490 base pairs. Molecular methods successfully identified 15 species and 13 genus of Cetacea from different localities in Indonesia. This study shows that molecular genetic techniques can be used as a method to identify species of cetaceans, in particular of stranded individual, which are hard to identify morphologically. The molecular data may complete the genetic database and become a reference for research on genetic diversity among marine mammal populations in Indonesia.

Keywords: *stranded Cetaceans, Indonesia, species identification, molecular technique*

ABSTRAK

Kasus Cetacea atau Paus dan Lumba-lumba terdampar di Indonesia sejak berapa tahun terakhir ini semakin sering terungkap dan ditangani oleh banyak pihak. Data dari *Whale Stranding Indonesia* (WSI) mencatat 40 kasus Cetacea terdampar di berbagai tempat di Indonesia selama tahun 2016 hingga bulan Februari 2017. Salah satu kendala bagi para penyelamat di lapangan adalah sulitnya mengidentifikasi jenis secara morfologi karena pada beberapa kasus, individu yang terdampar tidak dalam kondisi utuh. WSI mencatat lebih dari 21% jenis pada kejadian Cetacea terdampar di Indonesia, tidak teridentifikasi. Penelitian ini bertujuan memperkenalkan pendekatan genetika molekuler dalam mengidentifikasi jenis pada Cetacea terdampar. *Gen Control Region* dari DNA mitokondria diamplifikasi dengan menggunakan metode PCR (*Polymerase Chain Reaction*). Data sekuen dibandingkan dengan data di *genebank* dan dilihat persentase kesamaannya. Penelitian ini menggunakan 36 sampel individu dan 26 diantaranya teramplifikasi dengan panjang basa berkisar antara 445-490 bp (*base pair*). Metode molekuler berhasil mengidentifikasi 15 spesies dan 13 genus Cetacea yang diambil dari beberapa tempat di Indonesia. Studi ini menunjukkan bahwa teknik genetika molekuler dapat dijadikan metode untuk mengidentifikasi jenis dari Cetacea, terutama mamalia terdampar yang sulit untuk diidentifikasi secara morfologi. Data molekuler yang dihasilkan dapat melengkapi *database* yang ada di Indonesia serta menjadi penunjang bagi penelitian tentang keragaman genetik dan hubungan antar populasi mamalia akuatik di Indonesia.

Kata kunci: Cetacea terdampar, Indonesia, penentuan jenis, teknik molekuler

I. PENDAHULUAN

Kasus *Cetacea* atau paus dan lumba-lumba terdampar di Indonesia menjadi perhatian banyak pihak, khususnya pemerhati lingkungan (Priyasidharta, 2016; Iqbal, 2016). Data dari Whale Stranding Indonesia (WSI) (<http://www.whalestrandingindonesia.com>) mencatat 40 kasus *Cetacea* terdampar di berbagai tempat di Indonesia selama tahun 2016 hingga bulan Februari 2017. Data juga melaporkan bahwa 78% kasus *Cetacea* terdampar berakhir dengan kematian (Gambar 1 dan Gambar 2).

Salah satu kendala bagi para penyelamat *Cetacea* yang terdampar di lapangan adalah sulitnya identifikasi jenis. Pada beberapa kasus, individu tidak dapat atau susah ditentukan jenisnya secara morfologi, karena hanya sisa tubuh yang tertinggal atau kurangnya dokumentasi misalnya foto ciri spesifik untuk beberapa jenis *Cetacea*. WSI, mencatat lebih dari 21% jenis individu pada kejadian *Cetacea* terdampar di Indonesia, tidak teridentifikasi. Hal ini menjadi catatan penting mengingat identifikasi jenis sangat diperlukan sebagai referensi bagi pendataan dan perlindungan terhadap megafauna akuatik ini. Data yang dikumpulkan dapat menjadi gambaran mengenai detail populasi yang beruaya di perairan Indonesia.

Selain identifikasi secara morfologi, saat ini pendekatan secara molekuler juga dapat dilakukan untuk mengidentifikasi jenis *Cetacea* yang terdampar (Dalebout *et al.*, 1998; Baker *et al.*, 1996; Baker *et al.*, 2006). Dengan hanya menggunakan sedikit sampel dari jaringan tubuh hewan seperti daging, darah, kulit atau organ dalam, teknik *Polymerase Chain Reaction* (PCR) dapat mengidentifikasi sekuen DNA yang unik dari jenis yang berbeda dari gen tertentu (Sambrook and Russell, 2001). Teknik ini bahkan telah diaplikasikan untuk mengidentifikasi sirip ikan hiu yang diperdagangkan secara ilegal (Sembiring *et al.*, 2015) atau *mislabelling* pada daging yang digunakan dalam jenis makanan yang diperjualbelikan,

seperti misalnya ikan pada sushi (Willette *et al.*, 2017).

Berdasarkan hal tersebut, penelitian ini bertujuan untuk memperkenalkan pendekatan genetika molekuler dalam identifikasi jenis pada kejadian *Cetacea* terdampar, baik untuk peneguhan hasil identifikasi yang sudah ada maupun yang sulit dilakukan secara morfologi. Kedepannya, data molekuler yang dikumpulkan dapat menjadi penunjang bagi penelitian tentang keragaman genetik dan hubungan antar populasi dari *Cetacea* di Indonesia.



Gambar 1. Paus sperma terdampar mati di perairan Gilimanuk, Bali pada 27 November 2010.

Foto: BKSDA Bali.

II. METODE PENELITIAN

Sampel pada penelitian ini berasal dari berbagai sumber (Lampiran 1.) beberapa diantaranya dapat diidentifikasi secara morfologi di lapangan. Sampel diambil dari bagian daging, sebanyak ± 30 gram. Jaringan diambil dengan scalpel steril, kemudian disimpan dalam etanol 70% sebelum dilakukan ekstraksi DNA di laboratorium. Metode ekstraksi DNA menggunakan 10% Chelex (Walsh *et al.*, 1991). DNA hasil ekstraksi diamplifikasi dengan menggunakan metode PCR (*Polymerase Chain Reaction*) dengan menggunakan primer H16498 (5'- CCTGAA GTAAGAACCAGATG- 3') and L15812 (5'- CCTCCCTAAGACTCAAGGAAG- 3') (Roesel *et al.*, 1994).

PCR dilakukan dalam 25 μ L reaksi yang terdiri dari 1 μ L DNA hasil ekstraksi, 2,5 μ L 10x PCR buffer (Applied Biosystems), 2,5 μ L 10 mM dNTPs, masing-masing 1,25 μ L primer dengan konsentrasi 10 mM, 2 μ L 25 mM MgCl₂, 0,125 μ L AmplyTaq™ (Applied Biosystems) dan 14,5 μ L ddH₂O. Reaksi dilakukan dalam 38 siklus menggunakan teknik “Hotstart” dengan parameter sebagai berikut: pre-denaturasi dilakukan pada suhu 80°C selama 10 detik dan 94°C selama 15 detik, kemudian dilanjutkan dengan tahap denaturasi pada suhu 94°C (30 detik), penempelan primer atau *annealing* pada suhu 50°C (30 detik), pemanjangan rantai nukleotida atau *extension* selama 45 detik pada suhu 72°C dan siklus pemanjangan untai ganda di akhir amplifikasi selama 5 menit pada suhu 72°C. Hasil reaksi PCR kemudian divisualisasi dalam 1% gel agarose yang ditambahkan dengan ethidium bromide. Untai DNA yang dihasilkan dalam reaksi PCR akan berpendar di bawah sinar UV karena ethidium bromide dapat berikatan dengan DNA. Hasil amplifikasi PCR kemudian disekuensi di UC Berkeley sequencing facility.

Hasil sekuensing yang berupa untaian DNA dari dua arah, dibaca dengan Geneious 7.1.4 (Kearse *et al.*, 2012) dan disejajarkan (*alignment*) dengan MUSCLE (Edgar, 2004). Data sekuensi kemudian dibandingkan dengan data di genebank dengan BLAST (<https://blast.ncbi.nlm.nih.gov/Blast.cgi>) dan dilihat persentase kesamaannya. Pembangunan pohon filogenetik dilakukan dengan MEGA7 (Kumar *et al.*, 2016) menggunakan model Neighbor Joining dengan nilai bootstrap 1000.

III. HASIL DAN PEMBAHASAN

3.1. Hasil

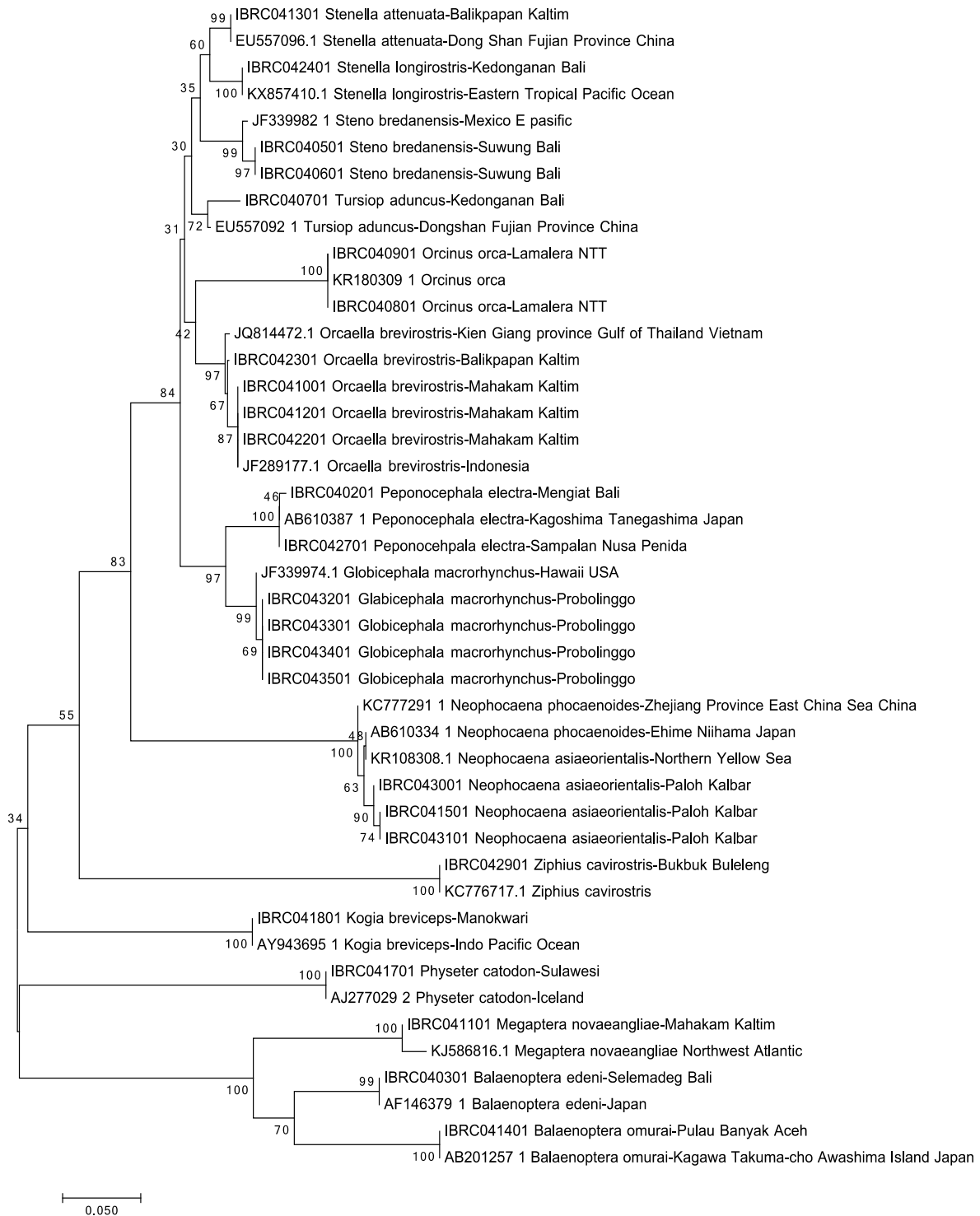
Sebanyak 36 sampel individu dalam penelitian ini diamplifikasi dengan metode PCR dan hanya 26 sampel yang berhasil diamplifikasi dan dapat dibandingkan dengan data dari genebank (<https://www.ncbi.nlm.nih.gov/>) dengan *accession number* KY963282-KY963307. Panjang basa yang teramplifikasi berkisar antara 445-490 bp (*base pair*). Primer yang digunakan untuk mengamplifikasi gen *control region* dari DNA mitokondria, berhasil mengidentifikasi 15 spesies dan 13 genus Cetacea yang diambil dari beberapa tempat di Indonesia. Hampir semua data morfologi dari sampel yang diidentifikasi di lapangan dapat diverifikasi dengan metode genetik (Lampiran 1.). Akan tetapi masih ada sepuluh sampel yang tidak teramplifikasi. Beberapa penyebab sampel tidak dapat teramplifikasi, diantaranya adalah DNA yang sudah terdegradasi pada sampel daging yang telah membusuk atau dipanaskan, atau terhambatnya proses PCR karena tingginya kandungan lemak dari sampel yang diambil dari bagian *blubber* atau lapisan lemak di bawah kulit.

Pohon filogenetik yang dibuat dari hasil penelitian ini menggambarkan hubungan kekerabatan antar spesies dan juga kedekatan genetik antara sekuen sampel dengan sekuen pembanding dari genebank (Gambar 2.). Sekuen dari penelitian ini mengelompok dalam kelompok atau *clade* sesuai dengan sekuen pembanding dari *genebank*. Kedekatan genetik antara hasil dengan sekuen pembanding berkisar antara 0,034 antara *Stenella attenuata* (lumba-lumba Bintik) dan *Stenella longirostris* (lumba-lumba Spinner), hingga 0,514 antara *Ziphius cavirostris* (paus moncong Cuvier) dan *Balenoptera omurai* (paus Omura). Jarak genetik diantara sekuen yang diidentifikasi sebagai spesies yang sama berkisar antara 0,00-0,022.

3.2. Pembahasan

Studi ini telah mengidentifikasi subordo Mysticeti atau Paus Baleen, yaitu *Balaenoptera edeni* (paus Bryde), *Balaenoptera omurai* (paus Omura) dan *Megaptera novaeangliae* (paus bungkuk) dan subordo odontoceti atau jenis *Cetacea* bergigi, yaitu *Physeter macrocephalus* (paus sperma), *Peponocephala electra* (paus kepala melon), *Orcinus orca* (paus pembunuh),

Identifikasi Jenis pada Kejadian *Cetacea* Terdampar di Indonesia dengan . . .



Gambar 2. Pohon filogenetik dengan metode Neighbor-Joining dan bootstrap 1000, dibangun dengan program MEGA 7 (Kumar *et al.*, 2016).

Kogia breviceps (paus Sperma Kerdil), pendek), *Stenella longirostris* (lumba-lumba Spinner), *Stenella attenuata* (lumba-lumba Bintik), *Steno bredanensis* (lumba-lumba

bergigi kasar), *Orcaella brevirostris* (lumba-lumba Irrawaddy) dan *Neophocaena phocaenoides* (porpoise tanpa sirip). Semua jenis tersebut di atas dilindungi oleh UU No. 5, 1990 dan PP No 7, 1999 di Indonesia. Sementara itu berdasarkan IUCN, Pesut Mahakam (lumba-lumba Irrawaddy) termasuk dalam kriteria kritis dan terancam punah (*Critically Endangered*) dan masuk kedalam CITES Apendiks I (Jefferson, *et al.*, 2008). Lumba-lumba Irrawaddy atau Pesut Pesisir dan *Porpoise* tanpa sirip keduanya terdaftar sebagai *vulnerable* atau rawan punah dan juga masuk di CITES I sama halnya dengan paus sperma. Jenis lain dalam studi ini terdaftar sebagai *Data Deficient* atau data tidak tersedia, *Not Assessed* atau status belum dinilai atau *Least Concern* atau kurang mengkhawatirkan dan mereka semua masuk didalam CITES appendix II. Khususnya lumba-lumba Irrawaddy dan porpoise tanpa sirip adalah residen dan menjadikan pesisir yang dangkal sebagai habitat mereka yang rawan dampak kegiatan manusia. Paus sperma juga dianggap sebagai residen di perairan Indonesia, khususnya paus remaja yang sepanjang tahun dapat ditemukan di Indonesia.

Hasil di atas memperlihatkan bahwa data genetik dapat dijadikan pendekatan yang baik, untuk membedakan taxa berdasarkan genus dan spesies. Sebagai contoh, dua sampel dari Tabanan, Bali dan Pulau Banyak, Aceh (IBRC040301 dan IBRC041401) teridentifikasi secara morfologi sebagai Paus Bryde (scientific name) tetapi berdasarkan analisa molekuler kedua sampel tersebut diketahui sebagai *Balenoptera edeni* (IBRC040301) dan *Balenoptera omurai* (IBRC041401).

Identifikasi molekuler juga dapat memberikan data tentang keberadaan jenis *Cetacea* tertentu di perairan Indonesia dan untuk itu ada beberapa hal yang harus diperhatikan dalam membandingkan data sekuen DNA dengan *baseline* data yang berasal dari *genebank* (<https://www.ncbi.nlm.nih.gov/>). Genus *Neophocaena* pada pe-

nelitian ini mengelompok pada satu *grup* yang sama dengan *Neophocaena asiaorientalis* dan *Neophocaena phocaenoides* dari *genebank*. Kedua spesies tersebut bahkan memiliki dua sekuen yang identik (AB61 0334 dan KR108308). Hal ini mungkin dikarenakan adanya satu spesies yang sama namun diidentifikasi menjadi dua spesies berbeda dan dinamai menjadi dua nama yang berbeda oleh dua penulis berbeda pada publikasi sebelumnya. Sulitnya menentukan penamaan yang tepat untuk kedua jenis tersebut, membuat penulis mengelompokkan ketiga individu *Neophocaena* sebagai *Neophocaena phocaenoides*, karena *Neophocaena asiaorientalis* saat ini diketahui memiliki penyebaran yang terbatas di Sungai Yangtse.

Spesies lain yang juga menarik untuk dibahas adalah Lumba-lumba Irrawaddy. Spesies ini tersebar di perairan pesisir yang dangkal dari India hingga Filipina dan termasuk Indonesia, khususnya daerah muara dan teluk. Diketahui pula ada tiga populasi yang murni hidup di air tawar sepanjang hidupnya di Sungai Ayeyarwady, Mekong dan Mahakam (Beasley *et al.*, 2005). Keempat sampel yang diidentifikasi sebagai lumba-lumba Irrawaddy pada penelitian ini berasal dari dua lokasi berbeda yaitu Sungai Mahakam dan Teluk Balikpapan. Walaupun sama-sama teridentifikasi sebagai lumba-lumba Irrawaddy, keempat sampel mengelompok menjadi dua *clade* berbeda pada pohon filogenetik, yang menunjukkan bahwa terdapat variasi genetik antara keempat sampel. Jika dilihat lebih lanjut, tiga sampel dari Sungai Mahakam mengelompok menjadi satu dan teridentifikasi sebagai haplotype 5.

Sampel dari Teluk Balikpapan teridentifikasi sebagai haplotype baru yang menjadi *sister taxa* dari haplotype 5 dan memiliki jarak genetik 0,01 dari sekuen yang ditemukan di Sungai Mahakam. Hasil ini sangat menarik karena menjadi indikasi adanya variasi genetik antara individu dari populasi yang berbeda, dan dapat menjadi dasar bagi penelitian tentang keragaman

genetik dari dua populasi yang merupakan satwa endemik dan dilindungi di Indonesia. Beasley *et al.* (2005) bahkan mengidentifikasi satu populasi baru di Australia dengan metode genetik untuk melengkapi identifikasi morfologi yang umumnya digunakan dan kemudian menamai populasi tersebut sebagai spesies baru.



Gambar 3. Pesut terdampar mati pada tanggal 1 November 2009 di Muara Semayang-Pela, Kalimantan Timur. Foto: Budiono/ RASI.

IV. KESIMPULAN

Studi ini menunjukkan bahwa teknik genetika molekuler dapat dijadikan metode untuk mengidentifikasi jenis dari *Cetacea* hingga tingkat spesies, terutama bagian tubuh dari mamalia terdampar yang sulit untuk diidentifikasi secara morfologi.

UCAPAN TERIMA KASIH

Penelitian ini terlaksana dengan dana dari the United States Agency for International Development's "Supporting Universities to Partner across the Pacific" program (Cooperative Agreement No. 497-A-00-10-00008-00).

Penulis mengucapkan terima kasih kepada Firman, Imelda Susanti, Budiono, Anne Dawydowa yang melakukan nekropsi dan/atau pengambilan sebagian dari sampel di Kalimantan Timur serta Turtle Guard-FKH, Universitas Udayana yang telah membantu pengambilan sampel di Bali

DAFTAR PUSTAKA

- Baker, C.S., F. Cipriano, and S.R. Palumbi. 1996. Molecular genetic identification of whale and dolphin products from commercial markets in Korea and Japan. *Molecular Ecology*, 5:671–685.
- Baker, C.S., V.S. Lukoschek, M.L. Lavery, Dalebout, M. Yong-Un, T. Endo, and N. Funahashi. 2006. Incomplete reporting of whale, dolphin and porpoise "bycatch" revealed by molecular monitoring of Korean markets. *Animal Conservation*, 9(4):474–482.
- Beasley, I., K.M. Robertson, and P. Arnold. 2005. Description of a new dolphin, the Australian snubfin dolphin *Orcaella heinsohni* sp. (Cetacea, Delphinidae). *Marine Mammal Science*, 21(3):365–400.
- Dalebout, M.L., A. Van Helden, K. Van Waerebeek, and C.S. Baker. 1998. Molecular genetic identification of southern hemisphere beaked whales (Cetacea: Ziphiidae). *Molecular Ecology*, 7:687–694.
- Edgar, R.C. 2004. Muscle: Multiple sequence alignment with high accuracy and high throughput. *Nucleic Acids Res*, 32:1792–1797.
- Iqbal, D. 2016. Makin banyak hiu terdampar di Pangandaran. Ada Apa? Dari Flora Fauna, <http://www.mongabay.co.id/2016/12/05/makin-banyak-mamalia-laut-terdampar-di-pangandaran-ada-apa/>. 5 Desember 2016. [Diunduh pada 26 April 2017].
- Jefferson, T.A., L. Karczmarski, D. Kere, K. Laidre, G. O'Corry-Crowe, R. Reeves, L. Rojas-Bracho, E. Secchi, E. Slooten, B.D. Smith, J.Y. Wang, and K. Zhou. 2008. *Orcaella brevirostris* (Mahakam River subpopulation). From The IUCN Red List of Threatened Species 2008: e.T3942 8A98842174, (errata version published in 2016), <http://www.iucnredlist>.

- org/details/39428/0. [Retrieved on 4 August 2017].
- Kearse, M., R. Moir, A. Wilson, S. Stones-Havas, M. Cheung, S. Sturrock, S. Buxton, A. Cooper, S. Markowitz, C. Duran, T. Thierer, B. Ashton, P. Meintjes, and A. Drummond. 2012. Geneious Basic: An integrated and extendable desktop software platform for the organization and analysis of sequence data. *Bioinformatics*, 28: 1647–1649.
- Kumar, S., G. Stecher, and K. Tamura. 2016. MEGA7: Molecular evolutionary Genetics Analysis version 7.0 for bigger datasets. *Molecular Biology and Evolution*, 33(7):1870–1874.
- Priyasidharta, D. 2016 Paus terdampar di Probolinggo, ini kata ahli mamalia laut. <https://m.tempo.co/read/news/2016/06/16/058780576/paus-terdampar-di-probolinggo-ini-kata-ahli-mamalia-laut>. 16 Juni 2016. [Diunduh pada 16 Juni 2016].
- Rosel, P.E., A.E. Dizon, and J.E. Heyning. 1994. Genetic analysis of sympatric morphotypes of common dolphins (genus *Delphinus*). *Marine Biology*, 119(2):159–167.
- Sambrook, J. and D.W. Russell. 2001. Molecular cloning: a laboratory manual. 3rd ed. Cold Spring Harbour Laboratory Press. Cold Spring Harbour. 2100p.
- Sembiring, A., N.P.D. Pertiwi, A. Mahardini, R. Wulandari, E.M. Kurniasih, A.W. Kuncoro, N.K.D. Cahyani, A.W. Anggoro, M. Ulfa, H. Madduppa, K.E. Carpenter, P.H. Barber, and G.N. Mahardika. 2015. DNA barcoding reveals targeted fisheries for endangered sharks in Indonesia. *Fisheries Research*, 164:130–134.
- Walsh, P., D.A. Metzger, and R. Higuchi. 1991. Chelex-100 as a medium for simple extraction of DNA for PCR based typing from forensic material. *Biotechniques*, 10:506–513.
- Willette, D.A., S.E. Simmonds, S.H. Cheng, S. Esteves, T.L. Kane, H. Nuetzel, N. Pilaud, R. Rachmawati, and P.H. Barber. 2017. Using DNA barcoding to track seafood mislabeling in Los Angeles restaurants. *Conservation Biology*, 1–23.
- Diterima* : 29 April 2017
Direview : 16 Mei 2017
Disetujui : 2 November 2017

Identifikasi Jenis pada Kejadian *Cetacea* Terdampar di Indonesia dengan . . .

Lampiran 1.

No	ID sampel	Tanggal koleksi	Kolektor	Hasil PCR	Lokasi	Identifikasi secara morfologi	Perbandingan dengan data Genebank (NCBI)				
							Spesies terdekat	Status Konservasi IUCN/CITES	% kesamaan secara genetik	Asal sampel	Genbank Accession Number
1	IBRC040101	12 Mei 2010	I Made Jaya Ratha	-	Sheraton, Nusa Dua Bali	Paus	-	-	-	-	
2	IBRC 040201	10 Agustus 2010	I Made Jaya Ratha	+	Mengiat, Nusa Dua, Bali	Paus kepala melon	<i>Peponocephala electra</i> (Paus kepala melon)	LC/-	99%	Kagoshima, Tanegashima, Japan	AB610387_1
3	IBRC 040301	13 Agustus 2010	I Made Jaya Ratha	+	Selemade, Tabanan, Bali	Paus Bryde	<i>Balaenoptera edeni</i> (Paus Bryde)	DD/CITES I	100%	Japan	AF146379_1
4	IBRC 040401	27 November 2010	I Made Jaya Ratha	-	Gilimanuk, Jembrana, Bali	Paus sperma	-	-	-	-	
5	IBRC 040501	12 Januari 2011	I Made Jaya Ratha	+	Pantai Suwung, Bali	Lumba bergigi kasar	<i>Steno bredanensis</i> (Lumba bergigi kasar)	LC/-	99%	Mexico, E. Pasific	JF339982_1
6	IBRC 040601	12 Januari 2011	I Made Jaya Ratha	+	Pantai Suwung, Bali	Lumba bergigi kasar	<i>Steno bredanensis</i> (Lumba bergigi kasar)	LC/-	99%	Mexico, E. Pasific	JF339982_1
7	IBRC 040701	13 Januari 2011	I Made Jaya Ratha	+	Kedongan, Bali	Lumba hidung botol Indo-Pasifik	<i>Tursiops aduncus</i> (Lumba hidung botol Indo-Pasifik)	DD/-	97%	Dongshan, Fujian Province, China	EU557092_1
8	IBRC 040801	8 Mei 2011	Paul Barber	+	Lamalera, NTT	Paus pembunuh	<i>Orcinus orca</i> (Paus pembunuh)	DD/-	100%	-	KR180309_1
9	IBRC 040901	8 Mei 2011	Paul Barber	+	Lamalera, NTT	Paus pembunuh	<i>Orcinus orca</i> (Paus pembunuh)	DD/-	100%	-	KR180309_1
10	IBRC 041401	18 Maret 2013	Maria Ulfa	+	Pulau Banyak, Aceh	Paus Bryde	<i>Balaenoptera omurai</i> (Paus Omura)	DD/CITES I	100%	Kagawa Takumacho, Awashima Island, Japan	AB201257_1
11	IBRC 041501	28 November 2014	Dwi Suprpti (WWF)	+	Paloh, Kalimantan Barat	Porpoise tanpa sirip	<i>Neophocaena phocaenoides</i> (Porpoise tanpa sirip)	VU/CITES I	99%	Zhejiang Province, East China Sea, China	KC777291_1

12	IBRC041701	Tahun 2014	Sekar Mira (LIP)	+	Sulawesi	Paus sperma	<i>Physeter macrocephalus</i> (Paus sperma)	VU/CITES I	100%	Iceland	AJ277029_2
13	IBRC041801	14 November 2013	Andri Wahyu Kuncoro	+	Manokwari, Papua Barat	Paus sperma kerdil	<i>Kogia breviceps</i> (Paus sperma kerdil)	DD/-	100%	Indo Pacific Ocean	AY943695_1
14	IBRC042401	04 November 2015	Ratna/Icha	+	Kedongan, Bali	Lumba spinner	<i>Stenella longirostris</i> (Lumba spinner)	DD/-	99%	Eastern Tropical Pacific Ocean	KX857410.1
15	IBRC042501	3 Februari 2016	Ratna/Icha	-	Pantai Batu Bolong, Canggu, Bali	Paus Bryde	-	-	-	-	-
16	IBRC042601	14 Maret 2016	Dio Maulid Suhendro	-	Pantai Batu Tumpeng, Klungkung, Bali	-	-	-	-	-	-
17	IBRC042701	14 Maret 2016	Wira Sanjaya (CTC)	+	Pantai Sampalan, Nusa Penida, Bali	-	<i>Peponocephala electra</i> (Paus kepala melon)	LC/-	99%	Kagosima, Tanegashima, Japan	AB610387_1
18	IBRC042801	8 Agustus 2015	Dian (WWF)	-	Buleleng, pantai	-	-	-	-	-	-
19	IBRC042901	8 Agustus 2015	I Made Jaya Ratha	+	Pantai Kalibukbuk, Buleleng, Bali	-	<i>Ziphius cavirostris</i> (Paus moncong Cuvier)	LC/-	100%	-	KC776717.1
20	IBRC043001	26 April 2016	Dwi Suprapti (WWF)	+	Paloh, Kalimantan Barat	porpoise	<i>Neophocaena phocaenoides</i> (Porpoise tanpa sirip)	VU/CITES I	99%	Northern Yellow Sea	KR108308.1
21	IBRC043101	26 April 2016	Dwi Suprapti (WWF)	+	Paloh, Kalimantan Barat	porpoise	<i>Neophocaena phocaenoides</i> (Porpoise tanpa sirip)	VU/CITES I	99%	Northern Yellow Sea	KR108308.1
22	IBRC043201	30 Juni 2016	Dwi Suprapti (WWF)	+	Probolinggo, Jawa Timur	Paus pilot sirip pendek	<i>Globicephala macrorhynchus</i> (Paus pilot sirip pendek)	DD/-	99%	Hawaii, USA	JF339974.1
23	IBRC043301	30 Juni 2016	Dwi Suprapti (WWF)	+	Probolinggo, Jawa Timur	Paus pilot sirip pendek	<i>Globicephala macrorhynchus</i> (Paus pilot sirip pendek)	DD/-	99%	Hawaii, USA	JF339974.1
24	IBRC043401	30 Juni 2016	Dwi Suprapti (WWF)	+	Probolinggo, Jawa Timur	Paus pilot sirip pendek	<i>Globicephala macrorhynchus</i> (Paus pilot sirip pendek)	DD/-	99%	Hawaii, USA	JF339974.1

Identifikasi Jenis pada Kejadian *Cetacea* Terdampar di Indonesia dengan . . .

25	IBRC043501	30 Juni 2016	Dwi Suprapti (WWF)	+	Probolinggo, Jawa Timur	Paus pilot sirip pendek	<i>Globicephala macrorhynchus</i> (Paus pilot sirip pendek)	DD/-	99%	Hawaii, USA	JF33997 4.1
26	IBRC043601	30 Juni 2016	Dwi Suprapti (WWF)	-	Probolinggo, Jawa Timur	-	-	-	-	-	-
27	IBRC043701	30 Juni 2016	Dwi Suprapti (WWF)	-	Probolinggo, Jawa Timur	-	-	-	-	-	-
28	IBRC043801	30 Juni 2016	Dwi Suprapti (WWF)	-	Probolinggo, Jawa Timur	-	-	-	-	-	-
29	IBRC043901	30 Juni 2016	Dwi Suprapti (WWF)	-	Probolinggo, Jawa Timur	-	-	-	-	-	-
30	IBRC044001	30 Juni 2016	Dwi Suprapti (WWF)	-	Probolinggo, Jawa Timur	-	-	-	-	-	-
31	IBRC 041001	01 November 2009	Danielle Kreb (Yayasan Konservasi RASI)	+	Sungai Mahakam, Semayang, Indonesia	Pesut Mahakam/Lumba Irrawaddy	<i>Orcaella brevirostris</i> (Lumba Irrawaddy)	CR/CITES I	99%	Indonesia	JF28917 7.1
32	IBRC 041101	02 Agustus 2010	Danielle Kreb (Yayasan Konservasi RASI)	+	Pantai Bontang, Kalimantan Timur	Paus bungkok	<i>Megaptera novaeangliae</i> (Paus bungkok)	LC/CITES I	98%	Northwest Atlantic	KJ58681 6.1
33	IBRC 041201	4 Januari 2010	Danielle Kreb (Yayasan Konservasi RASI)	+	Indonesia, Mahakam River, Pela	Pesut Mahakam/Lumba Irrawaddy	<i>Orcaella brevirostris</i> (Lumba Irrawaddy)	CR/CITES I			
34	IBRC 041301	04 Oktober 2008	Danielle Kreb (Yayasan Konservasi RASI)	+	Pantai Balikpapan	-	<i>Stenella attenuata</i> (Lumba bintik)	LC/-			
35	IBRC042201	15 April 2014	Danielle Kreb (Yayasan Konservasi RASI)	+	Sungai Mahakam, Sangkuliman, Indonesia	Pesut Mahakam/Lumba Irrawaddy	<i>Orcaella brevirostris</i> (Lumba Irrawaddy)	CR/CITES I			
36	IBRC042302	13 Februari 2015	Danielle Kreb (Yayasan Konservasi RASI)	+	Teluk Balikpapan, Indonesia	Pesut Pesisir/Lumba Irrawaddy	<i>Orcaella brevirostris</i> (Lumba Irrawaddy)	CR/CITES I			

Catatan: DD (*Data Deficient* atau data tidak tersedia), LC (*Least Concern* atau kurang mengkhawatirkan), VU (*Vulnerable* atau rawan), CR (*Critically Endangered* atau kritis dan terancam punah).